

NOTABREVE

ESTIMAÇÃO DE PARÂMETROS GENÉTICOS ENTRE PESOS PRÉ E PÓS-DESMAMA NA RAÇA NELORE

GENETIC PARAMETERS ESTIMATION AMONG PRE AND POST WEANING WEIGHTS IN NELLORE BREED

Garnero, A.V.^{1A}, Muñoz, M.C.C.D.², Marcondes, C.R.³, Lôbo, R.B.⁴, Lira, T.⁵ e Gunski, R.J.^{1*}

¹Campus São Gabriel. UNIPAMPA. Av Antônio Trilha, nº 1847. CEP 97300-000. São Gabriel, RS. Brasil.

^Aanaliagarnero@yahoo.com.br, ^{*}rgunski@yahoo.com.br

²Estación Experimental Agropecuaria. INTA Cerro Azul. Ruta Nacional nº 14, km 836. CP 3313. Misiones. Argentina. martind@cerro.inta.gov.ar

³Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária. Amazônia Oriental. Tv. Dr. Enéas Pinheiro, s/n Marco. CEP 66095-100. Belem, PA. Brasil. cimarcon@yahoo.com

⁴Associação Nacional de Criadores e Pesquisadores, ANCP. Ribeirão Preto-SP. CEP 14020-230. Brasil. raysildo@ancp.org.br

⁵Instituto Nacional de Pesquisa da Amazônia, INPA. Laboratório de Genética Animal - CPBA. Av André Araújo, 2936 Petrópolis. CEP 69083-000. Manaus, AM. Brasil.

PALAVRAS CHAVE ADICIONAIS

Bovinos. Covariância. Herdabilidade.

ADDITIONAL KEYWORDS

Bovines. Covariance. Heritability.

RESUMO

As correlações entre duas ou mais características estimam o nível de união entre elas, sendo a origem e a grandeza da relação existente de grande importância, pois visam aprimorar o material genético de um conjunto de caracteres que agem simultaneamente. Os objetivos foram: estimar os componentes de variância e herdabilidade para os pesos padronizados aos 120, 240, 365, 450 e 550 dias de idade (P120, P240, P365, P450 e P550, respectivamente) e estimar a correlação genética entre o P120 e os outros pesos citados. Foram utilizadas 29769 observações de bovinos da Raça Nelore, em análises uni e bi-caráter. Estas últimas, com o P120 como característica principal e a covariância aditiva fixada, estrategicamente, com o intuito de se obter estimativas de correlações genéticas. Os valores estimados de herdabilidades foram: 0,21 (P240); 0,37 (P365); 0,36 (P450) e 0,42 (P550). Para o P120, as estimativas variaram de 0,23 a 0,31. Os valores das correlações genéticas entre o P120 e os outros pesos foram altos e positivos: 0,96 (P240); 0,87 (P365); 0,79 (P450) e 0,76 (P550), sugerindo que a seleção para pesos em idade mais jovens promoverá o aumento dos pesos posteriores.

SUMMARY

Correlations among two or more traits indicate the extent to which they are associated. The level and magnitude of this association are key factors in genetic improvement because the goal is to enhance the genetic makeup of a group of traits that act simultaneously. Therefore, the aim of this study was to estimate the components of variance and heritability for standard weights at 120, 240, 365, 450 and 550 days of age (P120, P240, P365, P450 and P550, respectively), and the genetic correlation among P120 and other weights in Nelore cattle using a database of 29 769 records. Bivariate analysis was carried out for all the traits using P120 as an anchor, and additive covariance was fixed as an analytical strategy in order to obtain genetic correlation estimates. Heritability (h^2) values were 0.21 for P240; 0.37 for P365; 0.36 for P450 and 0.42 for P550. The estimation of h^2 varied between 0.23 and 0.31 for W120. Genetic correlation estimates were high and positive, 0.96, 0.87, 0.79 and 0.76 among P120 and P240, P365, P450 and P550, respectively. These values indicate that selection for weight at younger ages will lead to a corresponding change in later weight, in the same direction.

Recibido: 28-8-08. Aceptado: 22-10-08.

Arch. Zootec. 59 (): . 2010.

INTRODUÇÃO

Os parâmetros genéticos constituem a ferramenta utilizada na obtenção de predições das respostas direta e correlacionada à seleção, do valor genético dos animais e na elaboração de índices de seleção (Lira *et al.*, 2008). A herdabilidade de um caráter, em uma população, é o parâmetro que irá determinar a estratégia a ser usada em seu melhoramento, pois mede a capacidade de transmissão desse caráter à sua progênie. Por sua vez, a correlação permite prever como uma característica deverá se comportar, a partir de parâmetros obtidos para outra e estima o nível de união entre elas.

Os objetivos deste trabalho foram estimar os componentes de variância e herdabilidade para os pesos padronizados aos 120, 240, 365, 450 e 550 dias de idade e a correlação genética entre o P120 e os outros pesos citados, em bovinos da Raça Nelore.

MATERIAL E MÉTODOS

Foram analisadas 29 769 observações de bovinos Nelore do Brasil. A matriz de parentesco totalizou 46 310 animais e, as características estudadas foram os pesos padronizados aos 120, 240, 365, 450 e 550 dias de idade (P120, P240, P365, P450 e P550, respectivamente).

As análises estatísticas básicas e a preparação dos arquivos foram realizadas utilizando o *software Statistical Analysis System* (SAS, 1996) e a estimação dos parâmetros genéticos, pelo Método dos Modelos Mistos sob Modelo Animal utilizando o *software Multiple Traits Derivative Free Restricted Maximum Likelihood* (Boldman *et al.*, 1995).

Foram realizadas análises uni e bicaráter, sendo estas últimas, entre o P120 e os demais pesos estudados. Para o estudo das características pré-desmama (P120 e P240), utilizou-se o modelo 1, que incluiu

como efeitos fixos, os grupos de contemporâneos e classes de idade da vaca ao parto, e como aleatórios, os efeitos genéticos direto, materno e de ambiente permanente da vaca, além do residual. Para as características pós-desmama, utilizou-se o modelo 2, que incluiu como fixos, os efeitos de grupo de contemporâneos e classes de idade da vaca ao parto e, como aleatórios, os efeitos genéticos direto e residual.

Em termos matriciais os modelos podem ser descritos como:

$$Y = X\beta + Z_1a + Z_2m + Z_3p + \epsilon \text{ (modelo 1)}$$

$$Y = X\beta + Z_{1a} + \epsilon \text{ (modelo 2)}$$

em que:

Y= vetor das observações de cada característica;

X= matriz de incidência dos efeitos fixos;

β = vetor dos efeitos fixos;

Z_1 = matriz de incidência do efeito genético direto de cada animal;

a= vetor de efeitos aleatórios genéticos diretos;

Z_2 = matriz de incidência do efeito genético materno de cada animal;

m= vetor de efeitos aleatórios genéticos maternos;

Z_3 = matriz de incidência do efeito de ambiente permanente;

p= vetor de efeitos aleatórios de ambiente permanente;

ϵ = vetor de efeitos aleatórios residuais.

Os grupos de contemporâneos (GC) foram constituídos por animais nascidos na mesma fazenda e época do ano e com o mesmo sexo e regime alimentar (pasto ou suplementação). Para a formação dos grupos de contemporâneos aos 120 e 240 dias (GC120 e GC240) foram considerados quatro trimestres de nascimentos (de janeiro a março, de abril a junho, de julho a setembro e de outubro a dezembro), totalizando 451 e 554 grupos diferentes, respectivamente. Enquanto que, para os grupos de contemporâneos aos 365, 450 e 550 dias (GC365, GC450 e GC550) utilizaram-se semestres de nascimento: de janeiro a junho e de julho a dezembro, totalizando 544, 578 e

PARÂMETROS GENÉTICOS DE PESOS NA RAÇA NELORE

Tabela I. Número de observações (N), média, coeficiente de variação (CV), máximo e mínimo em kg dos pesos padronizados (P) aos 120, 240, 365, 450 e 550 dias de idade. (Number of observations (N), average, coefficient of variation (CV), maximum and minimum in kg of standardized weights (P) in 120, 240, 365, 450 and 550 days of age).

Peso dias	N	Média	CV%	Máximo	Mínimo
P120	21799	129	15,64	155	85
P240	22902	244	7,87	275	205
P365	21646	365	7,50	410	320
P450	19617	452	5,98	500	410
P550	16169	552	5,00	595	505

564 grupos diferentes, respectivamente. A idade da vaca ao parto foi agrupada em seis classes etárias distintas: menor que 36, de 36 a 47, de 48 a 59, de 60 a 71, de 72 a 119, e maior/igual a 120 meses de idade.

Considerou-se que a convergência foi atingida, quando a variância dos valores da função ($-2 \log L$) fosse menor que 10^{-9} e, a cada convergência o programa foi reiniciado (entre 3 a 5 vezes, de acordo as características), usando como valores de (co)variâncias iniciais aqueles obtidos na análise anterior (valores fixos), checando assim, possíveis máximos locais, assegurando que o valor alcançado fosse o máximo global e facilitando a obtenção das correlações genéticas.

RESULTADOS E DISCUSSÃO

As médias dos pesos padronizados são apresentadas na **tabela I** e estão em consonância com as reportadas pela literatura. As estimativas de herdabilidade genética direta para os pesos padronizados aos 120 e 240 dias de idade (P120 e P240) foram de mediana magnitude (0,23 e 0,21, respectivamente) (**tabela II**), correspondentes aos valores encontrados na literatura (Lira *et al.*, 2008).

O coeficiente de herdabilidade materna

para P120 variou de 0,04 a 0,09, indicando a grande importância do ambiente de criação proporcionado pela matriz ao bezerro, especialmente nesta idade, que corresponde ao pico da curva de lactação em zebuínos. O P120 é utilizado, inclusive, na avaliação da habilidade materna e do crescimento pré-desmama do bezerro, sendo uma das mais usada como característica-base, em análises bi-caráter, por minimizar os efeitos de des-

Tabela II. Componentes de (co)variância e valores de herdabilidade provenientes das análises bi-caráter entre o peso (P) padronizado aos 120 dias e os 240, 365, 450 e 550 dias de idade. (Components of (co) variance and values of heritability proceeding from analyses two-traits among the weight (P) standardized in 120 days and in 240, 365, 450 e 550 days of age).

	P120(1)			
	P240(2)	P365(2)	P450(2)	P550(2)
σ^2_{a1}	49,00	70,53	55,42	62,82
$\sigma^2_{a1,2}$	65,00	108,90	90,00	116,00
σ^2_{a2}	94,01	220,85	235,62	369,47
σ^2_{m1}	10,34	8,67	11,60	13,96
σ^2_{m2}	19,76	-	-	-
σ^2_{e1}	121,00	116,77	126,96	124,40
σ^2_{e2}	265,70	373,39	424,35	509,07
σ^2_{p1}	215,13	226,80	229,83	238,01
σ^2_{p2}	437,41	594,32	659,97	878,55
h^2_{a1}	0,23	0,31	0,24	0,26
h^2_{a2}	0,21	0,37	0,36	0,42
h^2_{m1}	0,09	0,04	0,05	0,06
h^2_{m2}	0,05	-	-	-
$r_{g1,2}$	0,96	0,87	0,79	0,76
c^2_1	0,16	0,13	0,15	0,15
c^2_2	0,13	-	-	-
e^2_1	0,56	0,51	0,55	0,52
e^2_2	0,61	0,63	0,64	0,58

σ^2_a : variância genética direta, $\sigma^2_{a1,2}$: covariância genética aditiva, σ^2_m : variância genética materna, σ^2_p : variância fenotípica, σ^2_e : variância residual, h^2_a : herdabilidade direta, h^2_m : herdabilidade materna, r_g : correlação genética, c^2 : contribuição do ambiente permanente para a variância fenotípica total, e^2 : fração do erro residual.

cartes posteriores à desmama. A estimativa de herdabilidade materna para o P240, foi de 0,05 concordando com Siqueira *et al.* (2003) e Lira *et al.* (2008). Para o peso ao ano (P365), característica que expressa a habilidade do animal em ganhar peso no período pós-desmama, o coeficiente de herdabilidade direta estimado (0,37) foi ligeiramente superior àqueles publicados na literatura (Lira *et al.*, 2008).

Os pesos padronizados aos 450 e 550 dias de idade (P450 e P550), expressam a habilidade do animal em ganhar peso no período pós-desmama. Existe tendência de redução da idade do peso ao sobreano, com a finalidade de intensificar o processo de seleção, procurando selecionar animais que atinjam pesos desejados com a maior precocidade produtiva possível. A herdabilidade genética direta estimada para P450 foi inferior à reportada por Siqueira *et al.* (2003), utilizando o mesmo modelo de análise, e semelhante aos valores relatados no artigo de revisão de Lira *et al.* (2008). O valor estimado de herdabilidade sugere que essa característica pode promover ganhos genéticos apreciáveis, mediante seleção.

Em relação ao ambiente permanente da vaca para as características P120 e P240, variaram de 0,13 a 0,16. Esta parcela da variação fenotípica é descrita como derivada da vaca, em virtude de fatores que podem provocar diferenças permanentes entre as matrizes de um rebanho.

As correlações obtidas (**tabela II**) permitem inferir que a seleção para qualquer

um dos pesos deverá promover mudanças positivas nos outros. Em relação a este parâmetro, há uma discussão recorrente no que diz respeito à obtenção de estimativas que utilizem em seu cálculo medições do peso aos 550 dias de idade. Para que este processo ocorra faz-se necessária a permanência do animal no rebanho por, pelo menos, três meses a mais do que seus 450 dias de idade, demandando com isso, mais gastos por parte do criador para a manutenção desse animal. A correlação genética entre o P450 e o P120 foi maior do que a entre este último e o P550, demonstrando, assim que é perfeitamente possível a redução do número de pesagens e a seleção dos animais em idades mais jovens.

CONCLUSÕES

Através da análise das estimativas de herdabilidades e correlações obtidas pode-se concluir que há variabilidade genética nos rebanhos analisados, podendo ser as características estudadas usadas em um processo de seleção. Esta seleção, objetivando o aumento dos pesos a idades mais jovens, promoverá, também, mudanças favoráveis nos pesos a idades posteriores.

AGRADECIMENTOS

Os autores agradecem ao apoio financeiro do CNPq, PRONEX, FAPESP, FINEP, ANCP e criadores do PMGRN, CNPq/SEPLAN-TO.

BIBLIOGRAFIA

- Boldman, K.G., Kriese L.A., Van Vleck, L.D., Van Tassel, C.P. and Kachman, S.D. 1995. A manual for use of MTDFREML: a set of programs to obtain estimates of variance and covariance [DRAFT]. Agricultural Research Service. Lincoln. 120 pp.
- Lira, T., Rosa, E.M. e Garnero, A.V. 2008. Parâmetros genéticos de características produtivas e reprodutivas em zebuínos de corte (Revisão). *Ciência Animal Bras.*, 9: 1-22.
- SAS. 1996. Statistical Analysis System. 6.12 versão for Windows®. SAS Institute. Cary.
- Siqueira, R.L.P.G., Oliveira, J.A., Lôbo, R.B., Bezerra, L.A.F. e Tonhati, H. 2003. Análise da variabilidade genética aditiva de características de crescimento na raça Nelore. *Rev. Bras. Zootecn.*, 32: 99-105.