

## Identificação do polimorfismo *IGF2/MboII* em populações bovinas da raça Nelore

Martins da Silva, A; Renzi, A; Rios, AFL; Galerani, MAV; Vila, RA; Ramos, ES; Lôbo, RB; de Freitas, MAR

Departamento de Genética, Faculdade de Medicina de Ribeirão Preto, Universidade de São Paulo  
amsilva@genbov.fmrp.usp.br

**Palavras-chave:** *IGF2* (*Insulin-like growth factor 2*), *imprinting* genômico, polimorfismo

O gene *IGF2* (*Insulin-like growth factor 2*) é responsável pela proliferação e diferenciação celular e participa de várias etapas do desenvolvimento embrionário e fetal dos mamíferos e está localizado no cromossomo 29 em bovinos. O gene *IGF2* é regulado pelo mecanismo epigenético denominado *imprinting* genômico. O objetivo deste estudo foi verificar a ocorrência do polimorfismo *IGF2/MboII* (substituição C/T) em 81 animais participantes de um teste de touros jovens, pertencentes da raça Nelore, considerada de grande importância econômica para a produção de carne no país. A partir da genotipagem de um fragmento de 193 pb localizado no exon 6 do gene *IGF2* bovino foi identificado o polimorfismo *IGF2/MboII*. A região estudada foi amplificada por PCR com iniciadores específicos para esta região e digeridos com a enzima *MboII* para análise da presença do segmento polimórfico. Os produtos de PCR foram genotipados e estimadas as frequências para os alelos C e T com os valores de 0,4320 e 0,5680, respectivamente. A frequência genotípica observada foi 0,1975 para CC, 0,3333 para TT e 0,4691 para CT. A partir desta pesquisa, a investigação de uma possível correlação desse polimorfismo com caracteres fenotípicos de importância econômica. A genotipagem de poderá auxiliar também na consolidação desse modelo animal para estudos futuros da influência da expressão alelo específica do *IGF2* e o padrão não mendeliano de herança sobre caracteres fenotípicos associados a esse gene.

Apoio financeiro: PRONEX, FAPESP, CNPq, ANCP e CAPES.